

Молекулярное профилирование НЭО выявляет маркеры, имеющие прогностическое и терапевтическое значение.

Выдержка из резюме доклада Antón Pascual B. Геномное профилирование пациентов с НЭН: прогностическое и терапевтическое значение. Конгресс ESMO по саркоме и редким видам рака 2023.

Испанское исследование описывает характеристику генома нейроэндокринных новообразований как первый шаг к более персонализированному лечению.

До недавнего времени в нескольких исследованиях были представлены данные по углубленной характеристике молекулярного ландшафта нейроэндокринных новообразований из-за их редкости, широкого анатомического распространения и молекулярной и клинической гетерогенности (Mol Oncol. 2023 Feb 16. doi: 10.1002/1878-0261.13393). Как сообщалось на Конгрессе ESMO по саркоме и редким видам рака 2023 г. (Лугано, 20–22 марта) в испанском исследовании, секвенирование крови, ткани или того и другого нового поколения, показывает отчетливые закономерности геномных изменений в поздних НЭО и нейроэндокринных карциномах (НЭК).

Всего было секвенировано 40 НЭО (75% степени 2 и 3), включая 16, расположенных в поджелудочной железе, 12 в тонком кишечнике и 6 в легких. Наиболее часто изменялись гены MEN1 (n=11), DAXX (n=7), DNMT3A (n=4) и SMAD4 (n=3). Среди 32 секвенированных НЭК (все степени 3) семь были локализованы в поджелудочной железе, шесть — в прямой кишке, два — в толстой кишке и шесть — неизвестной локализации. По сравнению с НЭО наиболее часто изменяемые гены в НЭК отличались и включали TP53 (n=15), RB (n=8), MYC (n=6), KRAS (n=5), APC (n=7), SMAD4 (n=4) и FGFR1–4 (n=3). Среднее мутационное бремя опухоли (ТМБ) составляло 3,46 и 4,45 (диапазон 0–35) в NET и NEC, соответственно, в то время как два NET (5%) и четыре NEC (13%) имели высокое ТМБ (не менее 10 мутаций / Мб). Только один НЭО и один НЭК (оба поджелудочной железы) показали микросателлитную нестабильность.

В анализе выживаемости значительно худший результат был связан с изменениями KRAS (p = 0,002), TP53 (p = 0,012) и MYC (p = 0,002) и высоким ТМБ (p = 0,004), что дает почву для прогноза и потенциальных целей лечения.

Исследователи из Hospital Universitario 12 de Octubre (Мадрид, Испания) сообщают, что в настоящее время проводятся дальнейшие исследования для оценки связи между геномными изменениями, локализацией первичной опухоли и реакцией на лечение.

Оригинал статьи по ссылке: <https://dailyreporter.esmo.org/esmo-sarcoma-and-rare-cancers-congress-2023/news/molecular-profiling-of-neuroendocrine-neoplasms-reveals-markers-with-prognostic-and-therapeutic-relevance>